



#4

1 CCTGGTCTCG CACTGCTCAC TCCCGCGCAG TGAGGTTGGC ACAGCCACCG  
51 CTCTGTGGCT CGCTTGGTTC CCTTAGTCCC GAGCGCTCGC CCACTGCAGA  
101 TTCCTTTCCC GTGCAGACAT GGCCTCTGGC ACCACCACTA CCGCCGTGAA  
151 GGTGAGATGA GCCCTCCCAG CCGCAGCGGT TCGCCTGCCG GATGCCTTCN  
201 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
251 CCTTCAAATG TTTGTTGATT TTTATGGAAG GCTTTGAAAT ATTTGTTGAT  
301 TGATGTTTCA TAATTTTTCAG ATTTCAAAAA AATAACTAGG GCTTGGCAGG  
351 AATGGAGAAG AGCATATGAA TAAATGAATT TGCTTAGAAT CTTATTTCTA  
401 AAAAAAATTA CCAAATACAA TAATCTTATA TGTCTTTTTT TGCTCTTAGA  
451 TTGAATAAT TGGTGAACA GGCCTGGATG ATCCAGAAAT TTTAGAAGGA  
501 AGAACTGAAA AATATGTGGA TACTCCATTT GGCAAGGTTA ATATCCAAC  
551 TGTGGAGACA TGTTTTNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
601 TTCTCTAAGT TGTATCCTCA GACTCTTCAG ATTCCATGAG TCCTGTTGTG  
651 GTTGAACAAT TATAATTTAC ATACCTGTTT TTAAATCAC TGAGTTAAAT  
701 GTCATTTTTT TCATTGCATG CAGCCATCTG ATGCCTTAAT TTTGGGGAAG  
751 ATAAAAAATG TTGATTGCGT CCTCCTTGCA AGGTATGGTA NNNNNNNNNN  
801 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
851 AAGCTTGATA CTCATCACGG GTTAACAATT TCTTCTCTCC TTCCATAGGC  
901 ATGGAAGGCA GCACACCATC ATGCCTTCAA AGGTCAACTA CCAGGCGAAC  
951 ATCTGGGCTT TGAAGGAAGA GGGCTGTACA CATGTCATAG TGACCACAGC  
1001 TTGTGGCTCC TTGAGGGAGG AGATTCAGCC CGGCGATATT GTCATTATTG  
1051 ATCAGTTCAT TGACAGGTAA GCAGTCATAC AAAATGCTTT AGGCTATTGT  
1101 AGCTGGTCAT TTTCAGCTCA AATGGACGAC NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
1151 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
1201 GAGGTCGACG GTATCGATAA GCTTTGTAAA CAATTGTCTT TAGCTTATCC  
1251 AGAGGAATTG AGTCTGGAGT AAAGACCCAA ATATTGACCT AGATAAAGTT  
1301 GACTCACCAG CCCTCGGAGG ATGGAAAGAT GGCCTTAAAA TAAAACAAAC  
1351 AAAAACCTTT TTTGCTTTAT TTTGTAGGAC CACTATGAGA CCTCAGTCCT  
1401 TCTATGATGG AAGTCATTCT TGTGCCAGAG GAGTGTGCCA TATTCCAATG

FIGURE 1

1451 GCTGAGCCGT TTTGCCCCAA AACGAGAGAG GTGTGTAGTC TTTCTGGAAG  
1501 GTGTACCAGA ATAAATCATG TGGGCTTGGG GTGGCATCTG GCATTTGGTT  
1551 AATTGGCAGA CGGAGTGGCC CCATACCCTC ACTCAAGTTT GCTTTGTATT  
1601 ATGCAAGTTT ATGGAGAGTT ATTTCTGTGTT GCTAATAATT TNNNNNNNNN  
1651 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
1701 AAGTGCAGCC TTAAGTTGTG CATGTGCTAG TATGTTTTGA AGTTTCTGGT  
1751 TTTTCTTTTC TAGGTTCTTA TAGAGACTGC TAAGAAGCTA GGACTCCGGT  
1801 GCCACTCAAA GGGGACAATG GTCACAATCG AGGGACCTCG TTTTAGCTCC  
1851 CGGGCAGAAA GCTTCATGTT CCGCACCTGG GGGGCGGATG TTATCAACAT  
1901 GACCACAGTT CCAGAGGTGG TTCTTGCTAA GGAGGCTGGA ATTTGTTACG  
1951 CAAGTATCGC CATGGGCACA GATTATGACT GCTGGAAGGA GCACGAGGAA  
2001 GCAGTAGGTG GAATTCTTTT CTAAGCACAT ATAGCATGGG TTTCTGGGTG  
2051 CCAATAGGGT GTCTTAACTG TTTGTTTCTA TTACGTTAGT TTCAGAAAAGT  
2101 GCCTTTCTAC AAGGTTTTGA AGTTGTTAAT ATTTTCTGTA GTTCCATTGG  
2151 AAGGTAAGAA CAAAGATCAA AAGAAAGAAA GAGACACTTT TACCCAAGGA  
2201 TCAGTAGTGA AAATAGTACA TTGTAGGCAT GTAGATGTGT TGAGAATCAT  
2251 ACTAAGACTT GGGCCTTNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
2301 NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
2351 GAGCTCCGAA AAATGTTTTA TGACTAGCAG TGAATTTTA AGTTCTAGTA  
2401 ACCTCCAGTG CTATTGTTTC TCTAGGTTTC GGTGGACCGG GTCTTAAAGA  
2451 CCCTGAAAGA AAACGCTAAT AAAGCCAAAA GCTTACTGCT CACTACCATA  
2501 CCTCAGATAG GGTCCACAGA ATGGTCAGAA ACCCTCCATA ACCTGAAGGT  
2551 AAGTGTGAGC CATGGACAAC CAGGCATGTC TGGAGACTCT CTATTGTCTT  
2601 CTCCTCTCAC TAGCATCACA CCCGGGGGTC CTCATGTATT TTATGCCAGC  
2651 CTANNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN NNNNNNNNNN  
2701 CTGTAGAATT TATTTAAAGT GTATGTTTCC TCGTCCTCA CTTTGATCTA  
2751 GAAAATCAAA ATCTGGTTTT TTTTAAACA AACATCTCAG TAATTACGCC  
2801 AACATGTGAA TATCACTGCC TCCTTTCTTC CTTTCAGAAAT ATGGCCAGT

FIGURE 1

2851 TTTCTGTTTT ATTACCAAGA CATTAAAGTA GCATGGCTGC CÇAGGAGAAA  
2901 AGAAGACATT CTAATTCCAG TCATTTGGGA ATTCCTGCTT AACTTGAAAA  
2951 AAATATGGGA AAGACATGCA GCTTTCATGC CCTTGCCTAT CAAAGAGTAT  
3001 GTTGTAAGAA AGACAAGACA TTTGTGTGTA TTAGAGACTC CTGAATGATT  
3051 TAGACAACTT CAAAATACAG AAGAAAAGCA AAA

Figure. The genomic sequence of MTAP gene. Exons 1-8 are underlined.